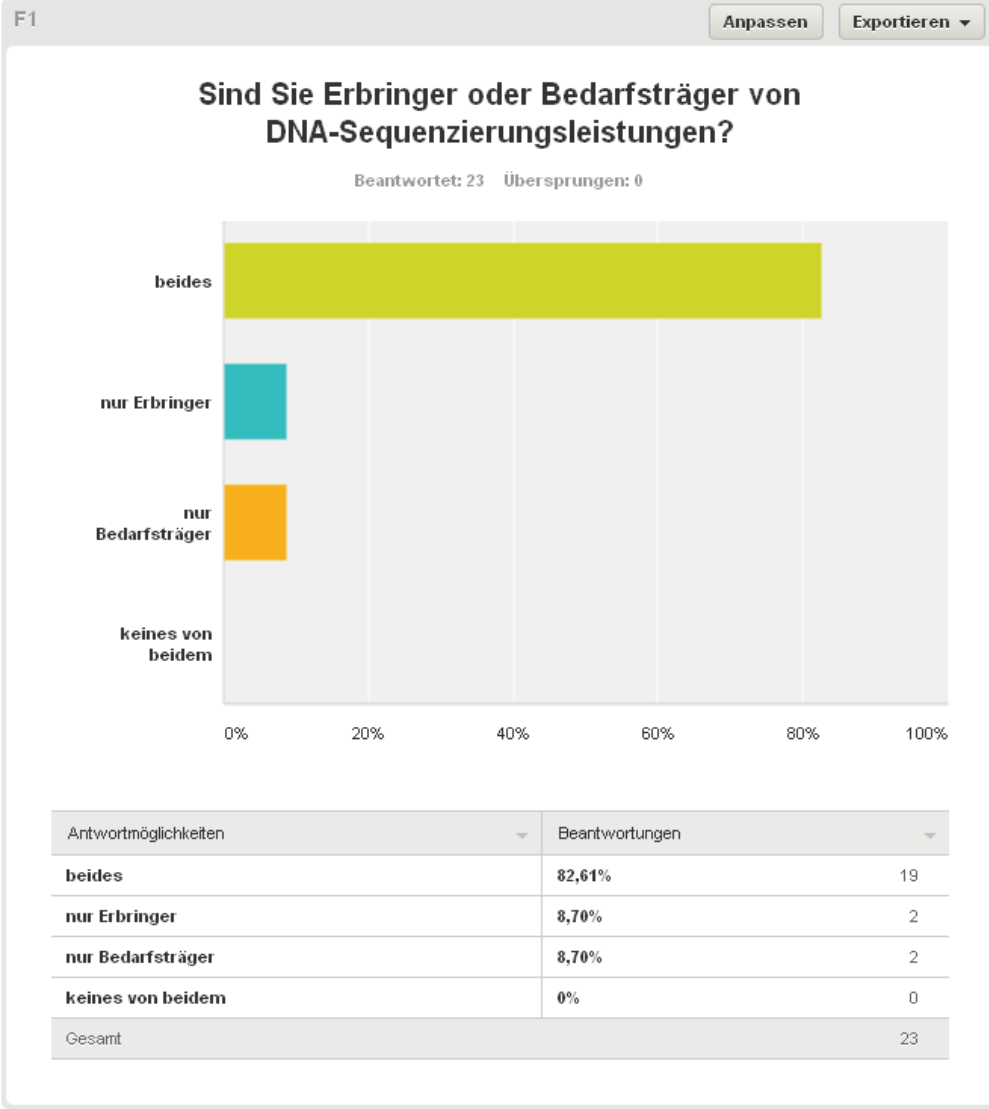


Online-Umfrage (11.02. – 28.02.2014)

zum Workshop

**„Datenbank genomischer Varianten für die klinische
Anwendung und die medizinische Forschung“**

am 19.03.2014 in Essen



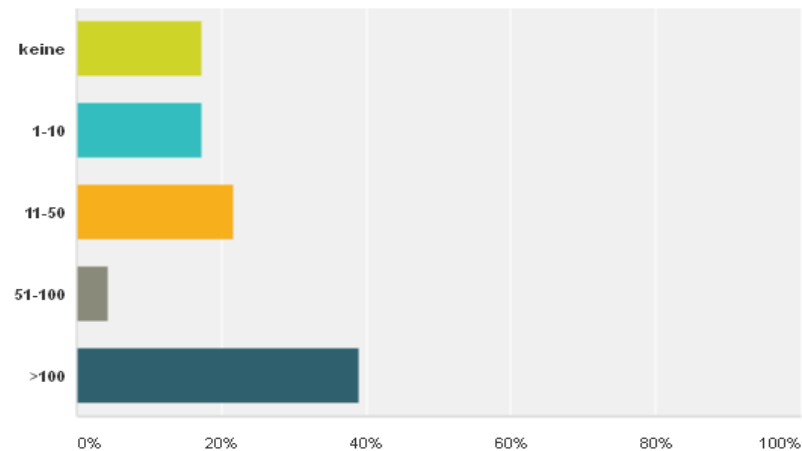
F2

Anpassen

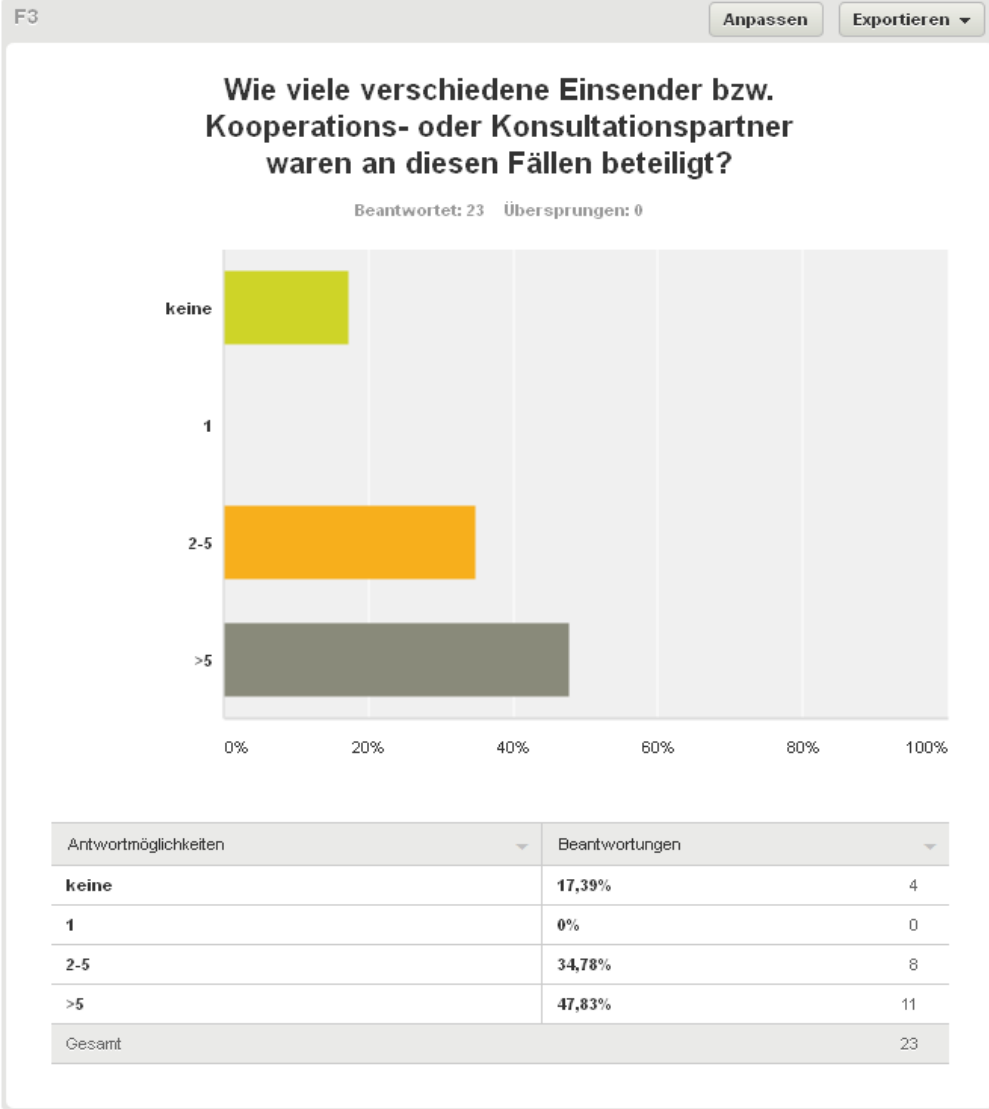
Exportieren ▾

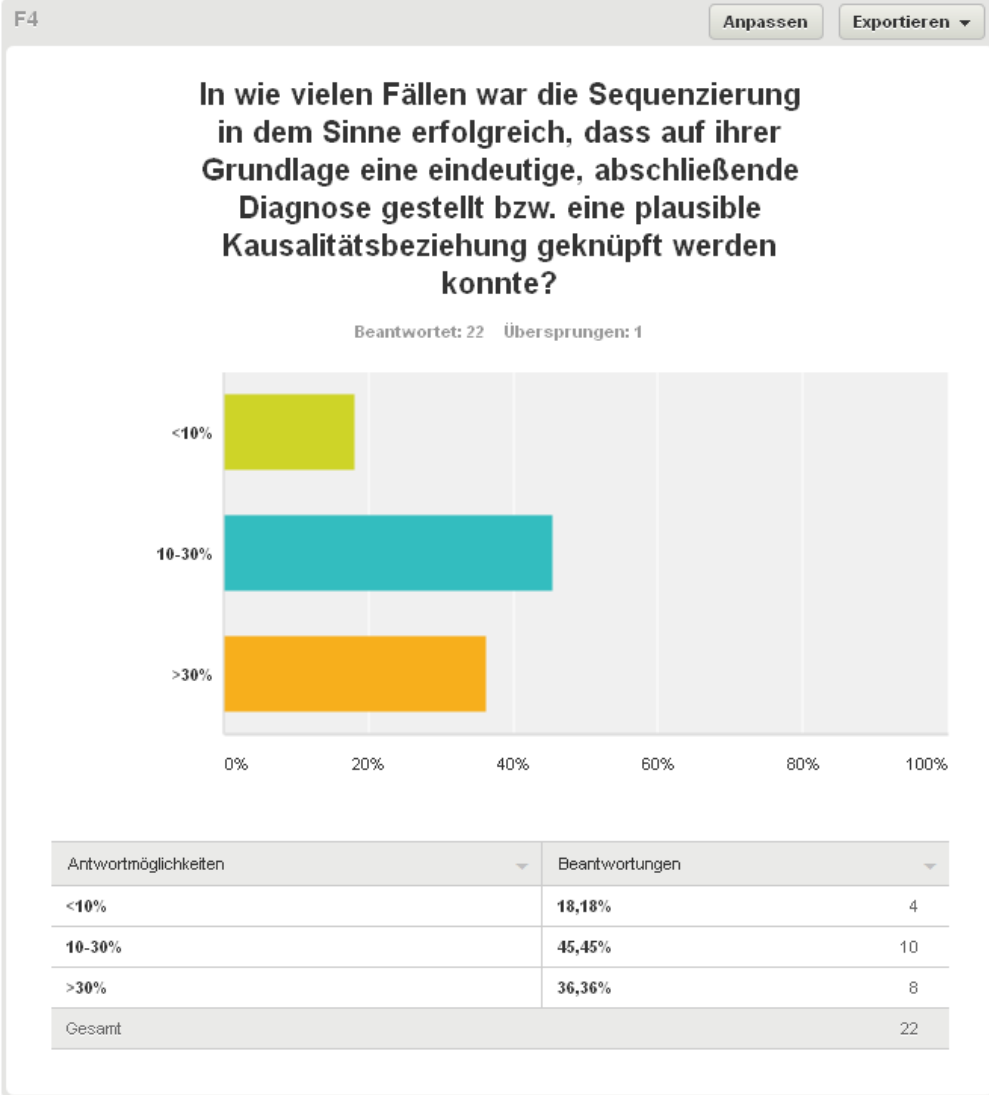
In wie vielen molekulargenetisch-diagnostischen Untersuchungen haben Sie bisher Technologien des Next-Generation-Sequencings (NGS) eingesetzt (Anzahl der Indexpatienten)?

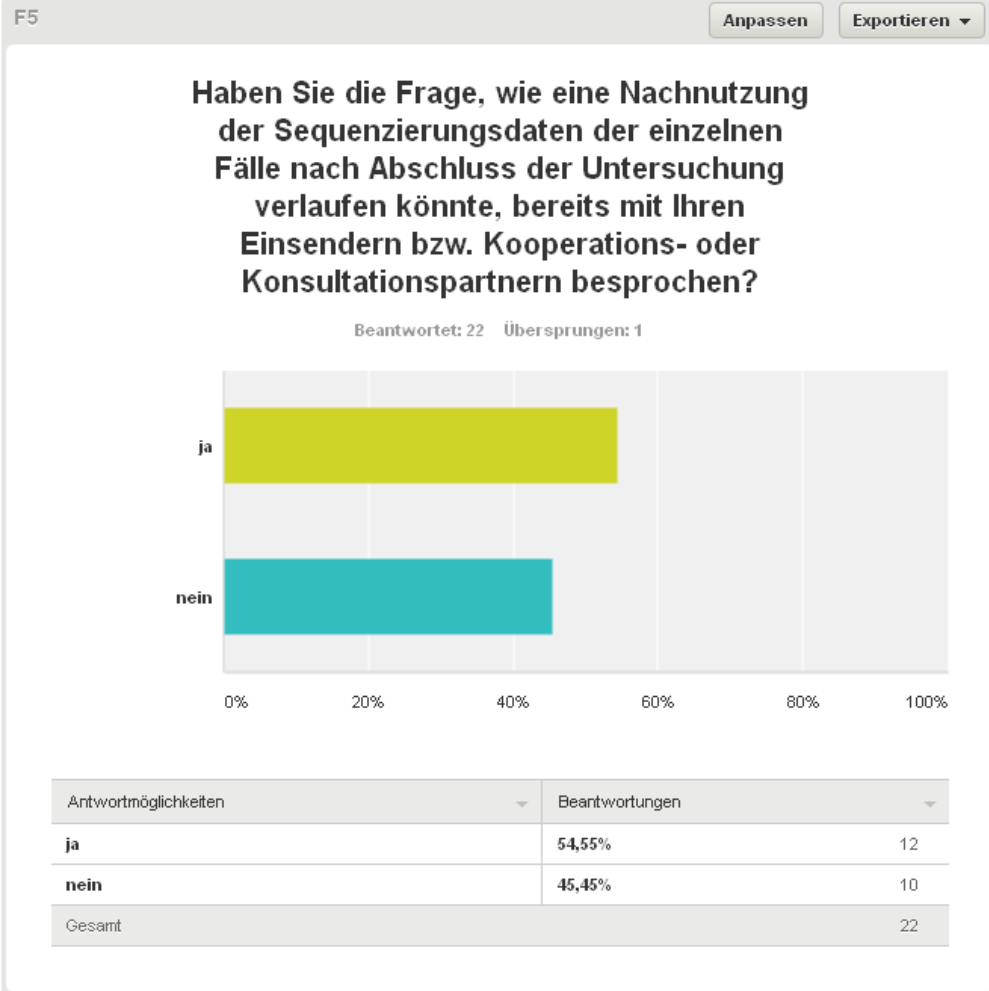
Beantwortet: 23 Übersprungen: 0

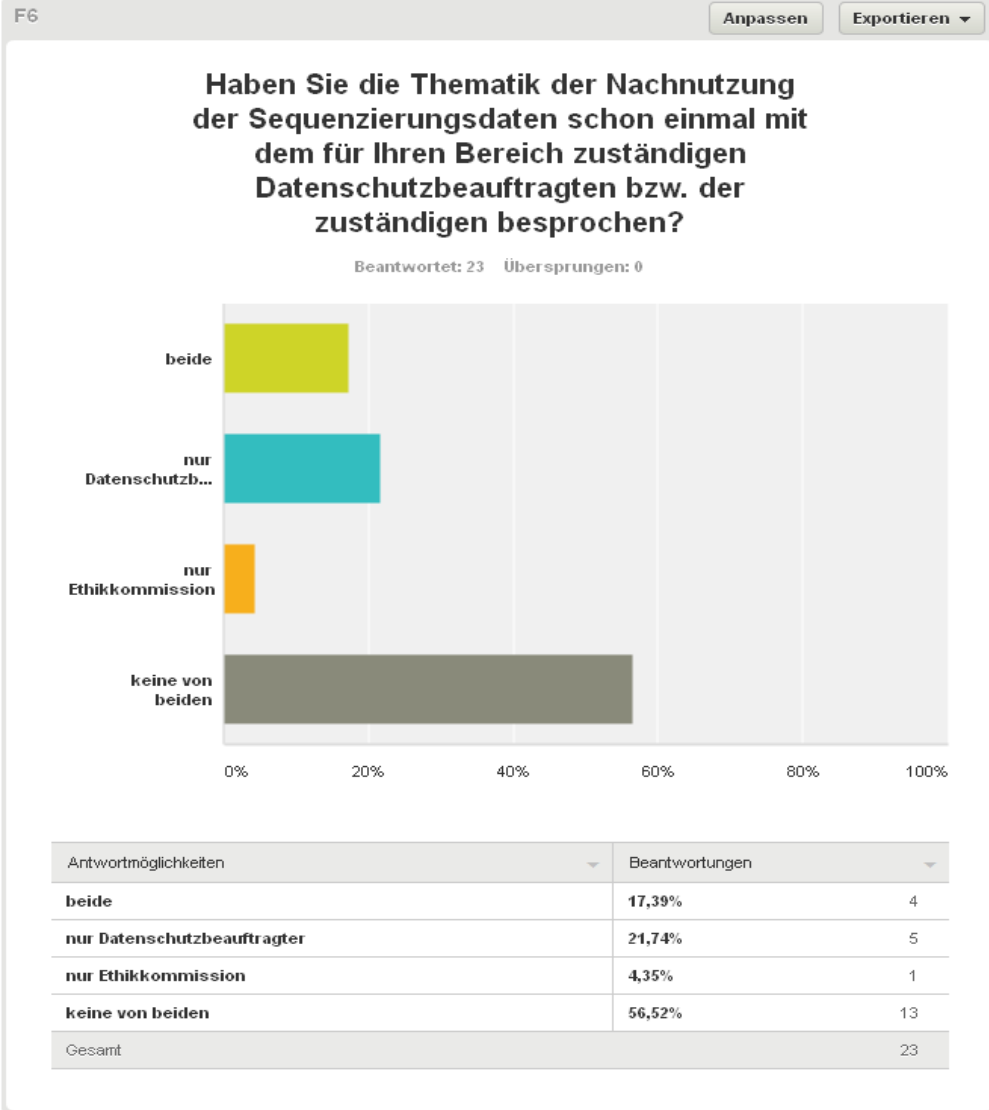


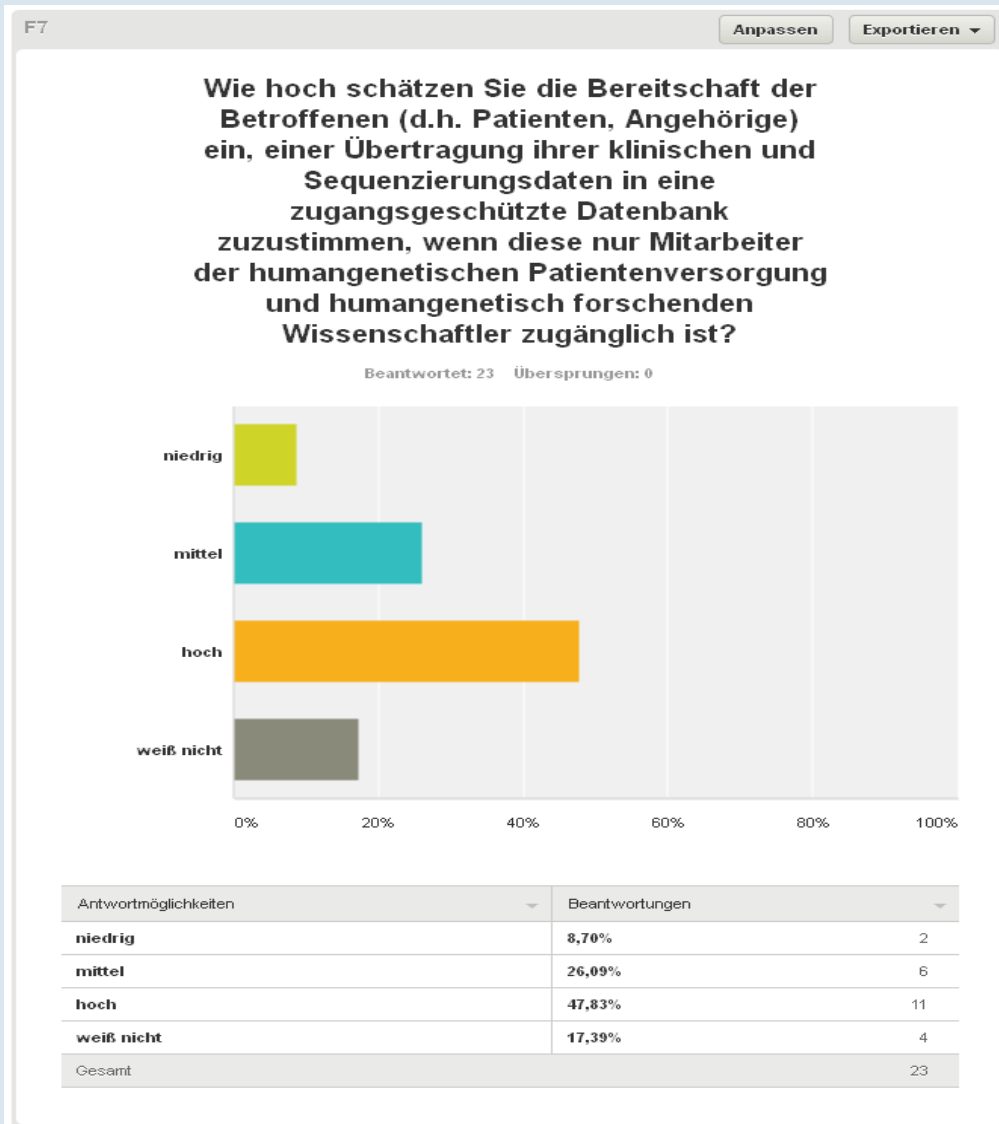
Antwortmöglichkeiten	Beantwortungen	Anzahl
keine	17,39%	4
1-10	17,39%	4
11-50	21,74%	5
51-100	4,35%	1
>100	39,13%	9
Gesamt		23

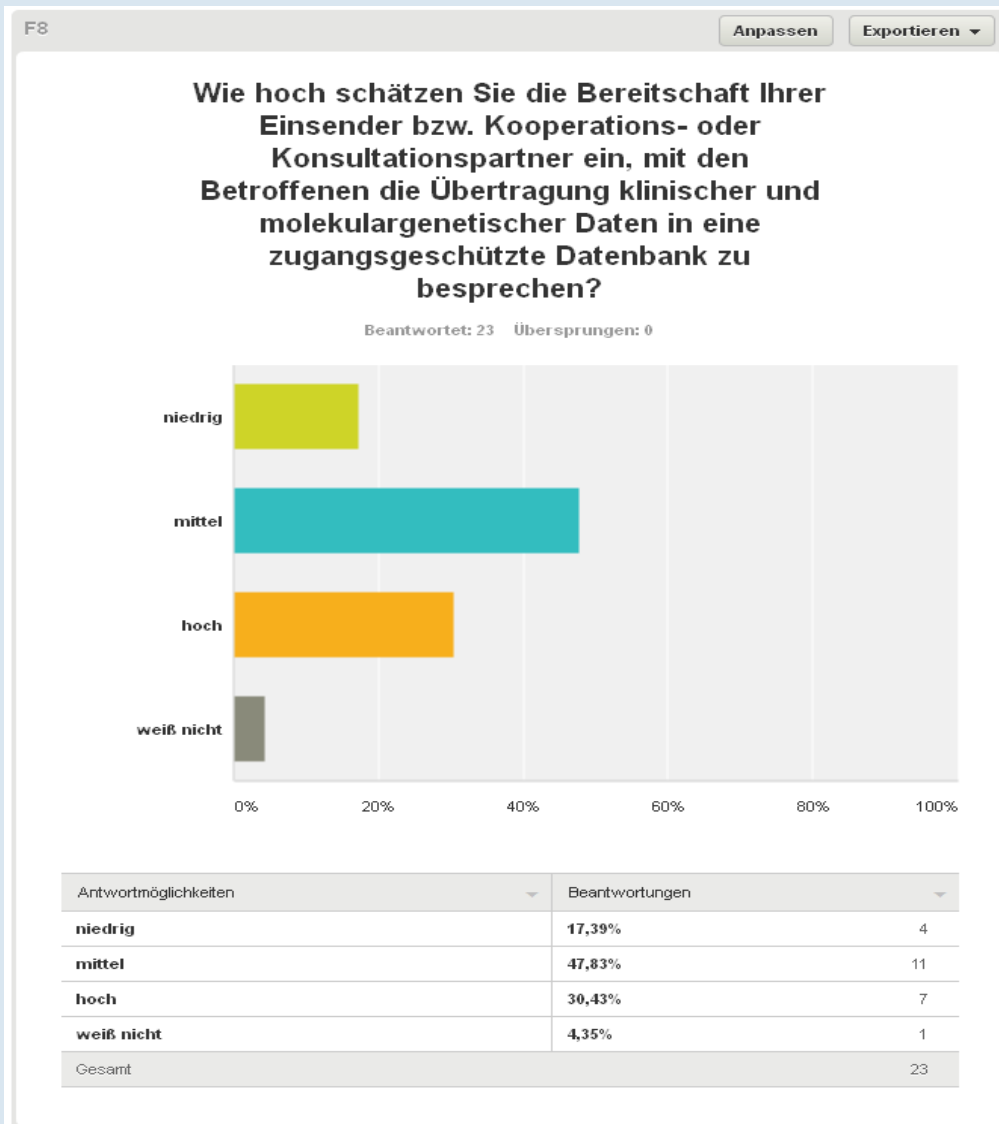


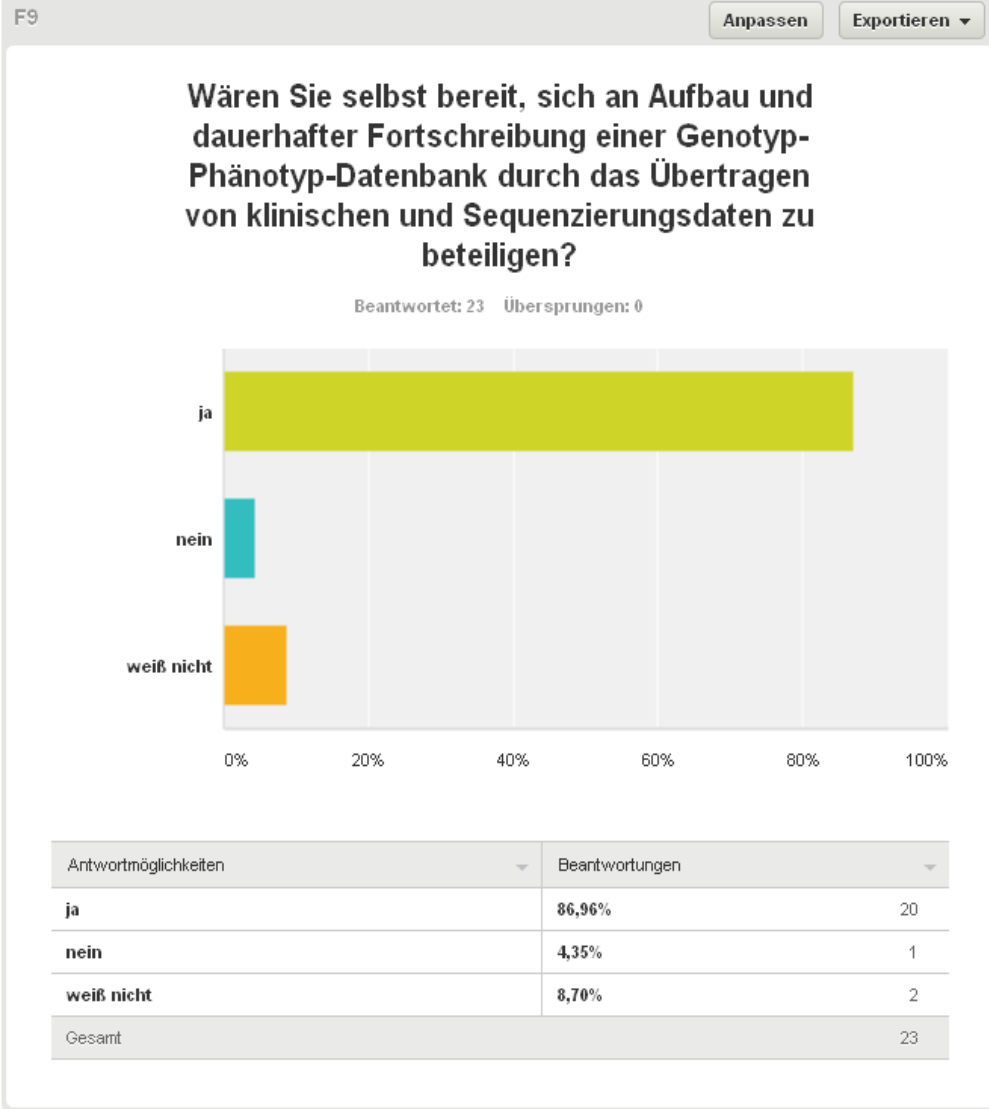












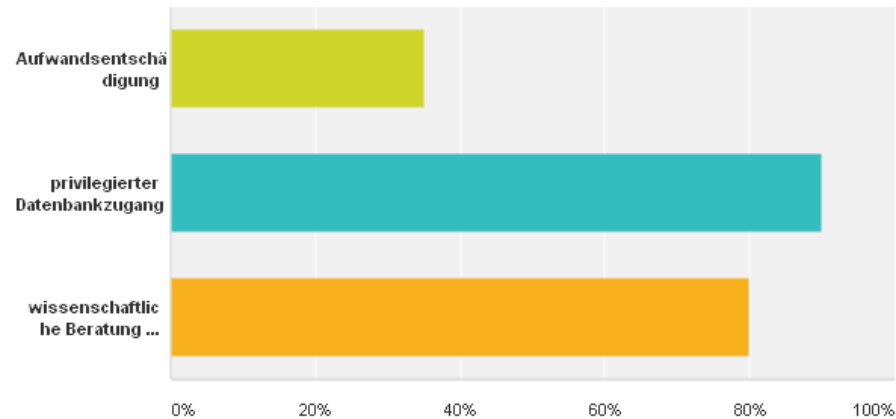
F10

Anpassen

Exportieren ▾

Welche Gegenleistungen würden Sie für Ihre Beteiligung an einer Genotyp-Phänotyp-Datenbank erwarten (es sind mehrere Antworten möglich)?

Beantwortet: 20 Übersprungen: 3



Antwortmöglichkeiten ▾	Beantwortungen ▾	
Aufwandsentschädigung	35%	7
privilegierter Datenbankzugang	90%	18
wissenschaftliche Beratung bei der Dateninterpretation	80%	16

Befragte gesamt: 20

[Kommentare \(7\)](#)



Weitere Informationen & Kontakt

Dr. Roman Siddiqui

Geschäftsstelle TMF e.V.

Tel: +49 (0)30 – 22 00 247 – 52

E-Mail: info@tmf-ev.de

Internet: www.tmf-ev.de